

## Problema

A proteômica é uma técnica analítica que permite identificar e quantificar proteínas de uma amostra biológica na busca de maior entendimento no nível molecular. O método auxilia na descoberta de novos biomarcadores e no desenvolvimento de fármacos. Contudo, amostras complexas como fluidos biológicos, tecidos, biópsias ou cultura de células são analisadas por espectrometria de massas, gerando uma coleção com milhares de espectros que não podem ser interpretados manualmente. Isso limita a precisão e confiança dos dados gerados pela técnica.

## Solução

A solução propõe a criação de um software computacional que viabiliza o estudo dos espectros de amostras biológicas para experimentos proteômicos, a fim de permitir uma análise estatística e interpretação precisa. A solução oferece uma série de módulos inéditos, além de fácil interface gráfica. O programa é robusto e se sobressai quando comparado aos concorrentes em dados de experimentos de prova de conceito.

## Diferencial

Ambiente computacional inédito

Preciso

Interface gráfica amigável

## Estágio de Desenvolvimento



## O que buscamos?

Licenciamento da tecnologia para empresas, plataformas ou grupos de pesquisa que tenham interesse em utilizar o software acoplado a equipamentos que utilizam espectrometria de massas para análises proteômicas. Além disso, o grupo oferece também treinamento in loco da solução, com análise dos dados do cliente.

QUER SABER MAIS? ENTRE EM CONTATO!

## Inventores

Paulo Costa Carvalho



Aponte a câmera do celular para escanear o QR Code



Campus Fiocruz Maré - Av. Brasil, 4036 - Maré, Rio de Janeiro - RJ  
CEP: 21040-361

✉ portfolio@fiocruz.br

☎ +55 (21) 3282-9080