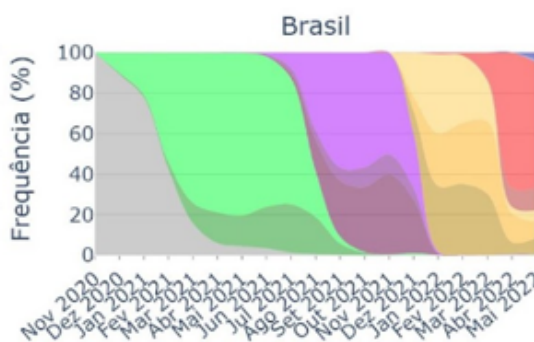
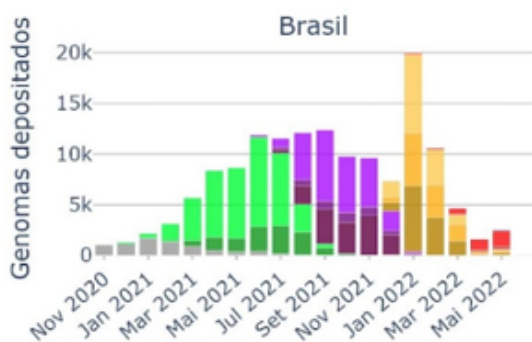




Relatório referente ao período de 03/06 a 16/06 de 2022

Circulação de amostras (Nov/2020-Jun/2022)
(as porcentagens entre parênteses se referem às frequências em Mai/22)

substituição da linhagem dominante
BA.1 → **BA.2**



AY.99.2 (Delta)	: 0 (0.0%)
AY.101 (Delta)	: 0 (0.0%)
AY.*+B.1.617.2 (Delta)	: 0 (0.0%)
BA.1 (Omicron)	: 139 (5.2%)
BA.1.1 (Omicron)	: 210 (7.9%)
BA.1.* (Omicron)	: 202 (7.6%)
BA.2 (Omicron)	: 1682 (63.3%)
BA.2.* (Omicron)	: 291 (11.0%)
BA.4 (Omicron)	: 28 (1.1%)
BA.5 (Omicron)	: 103 (3.9%)
Outras	: 2 (0.1%)
P.1 (Gama)	: 0 (0.0%)
P.1.* (Gama)	: 0 (0.0%)

Produção da Rede Genômica de Março de 2020 a Junho de 2022

46.712 genomas em 724
relatórios (desde Jun/2021).
46.862 genomas depositados
no GISAID em todo
o período

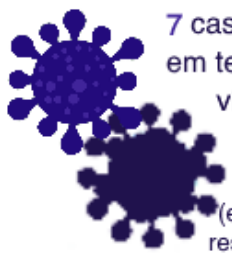


98 publicações acadêmicas,
somando revisadas por
pares, pre-prints e posts
no fórum de especialistas
Virological.Org

18 linhagens, variantes e formas
recombinantes do SARS-CoV-2, e
uma amostra de Influenza H3N2
disponíveis no biorrepositório da RGF



7 casos confirmados por RT-PCR
em tempo real de codeteccção dos
vírus SARS-CoV-2 (BA.1) e
Influenza A (H3N2)
A/Darwin/6/2021-like
(eventos de codeteccção de diferentes vírus
respiratórios podem ocorrer com frequência)



VOC Ômicron e suas linhagens BA.* mais frequentes no Brasil até 16/06/2022

BA.1 (14.045 genomas)
BA.1.1 (11.027 genomas)
BA.2 (3.563 genomas)

Outras linhagens relevantes no período:

BA.4 (29 genomas) BA.5 (89 genomas)
BA.2.12.1 (41 genomas) XQ(XAG*) (79 genomas)



69 casos de reinfecção caracterizados geneticamente
56 dos quais associados à VOC Ômicron
(eventos de reinfecção pelo SARS-CoV-2 podem
ocorrer com frequência, especialmente com a circulação
de VOCs. O número baixo de casos confirmados se
deve à complexidade do processo de confirmação)

770 casos de infecção após a vacinação,
dos quais 580 pacientes se recuperaram
bem, 96 se recuperaram após internação
e 94 tiveram quadro que progrediu a óbito

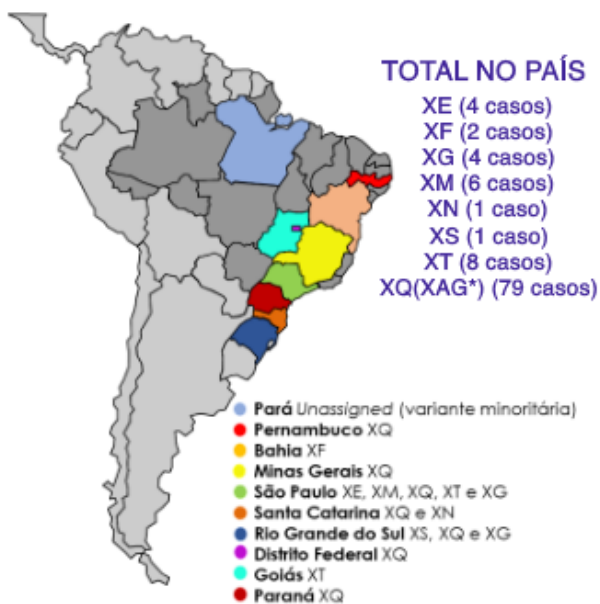


Os casos de infecção de pacientes vacinados
foram associados às linhagens Gama (n = 9),
Delta (n = 230), e Ômicron BA.1/BA.1.* (n = 450),
BA.2/BA.2.* (n = 74), BA.4 (n = 1), BA.5 (n = 6)

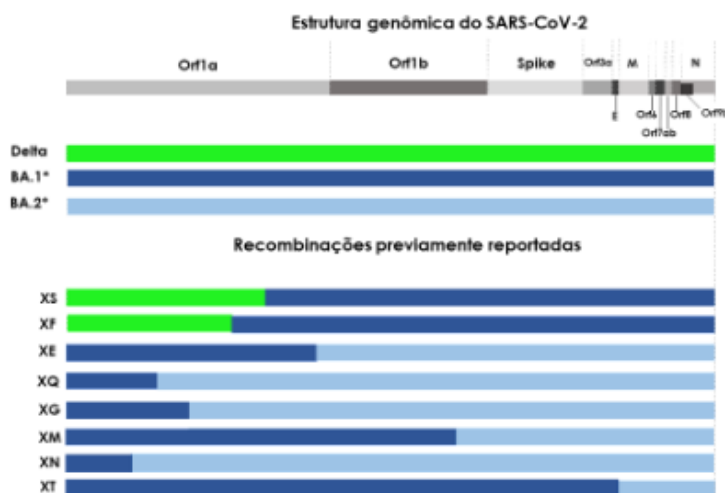
(Importante ressaltar que as vacinas vêm cumprindo seu
papel de proteger contra quadros graves. Casos de internação
e óbito podem estar associados a outros fatores como complicações e
comorbidades do indivíduo infectado)

Recombinantes encontradas no Brasil no período de fevereiro a junho de 2022

Distribuição das amostras recombinantes por estado



Estrutura do vírus SARS-CoV-2 e os perfis de recombinação já descritos na literatura



Resultados da aplicação de Testes de Inferência de VOCs pela metodologia de RT-PCR em Tempo Real no Brasil

Testes aplicados em 21 Unidades Federativas entre dezembro de 2021 e 11 de maio de 2022

Total de Amostras Triadas: **23.230** em todo o Brasil

